

		hsa-miR-29a-3p		
#	Gene Name	Gene Ensembl id	Context Score	Conservation Score
1	<i>CCNI2</i>	ENSG00000205089	-0.436	
2	<i>VPS33B</i>	ENSG00000184056	-0.506	
3	<i>SCLT1</i>	ENSG00000151466	-0.591	
4	<i>DAAM2</i>	ENSG00000146122	-0.477	
5	<i>TMEM183A</i>	ENSG00000163444	-0.425	0.924
6	<i>BRWD3</i>	ENSG00000165288	-0.732	
7	<i>VCPKMT</i>	ENSG00000100483	-0.485	0.676
8	<i>NAT1</i>	ENSG00000171428	-0.439	
9	<i>C2orf68</i>	ENSG00000168887	-0.474	
10	<i>FREM2</i>	ENSG00000150893	-0.424	0.969
11	<i>SPARC</i>	ENSG00000113140	-0.603	
12	<i>FERMT2</i>	ENSG00000073712	-0.437	0.453
13	<i>FAM167A</i>	ENSG00000154319	-0.467	
14	<i>SLC6A14</i>	ENSG00000087916	-0.442	
15	<i>ISG20L2</i>	ENSG00000143319	-0.421	0.925
16	<i>FEM1B</i>	ENSG00000169018	-0.496	0.924
17	<i>LRP6</i>	ENSG00000070018	-0.489	0.972
18	<i>SLC44A5</i>	ENSG00000137968	-0.452	0.925
19	<i>FABP1</i>	ENSG00000163586	-0.496	
20	<i>SH3PXD2A</i>	ENSG00000107957	-0.423	0.987
21	<i>PCDHA10</i>	ENSG00000250120	-0.552	
22	<i>ZNF396</i>	ENSG00000186496	-0.493	
23	<i>TET1</i>	ENSG00000138336	-0.651	0.999
24	<i>CLEC2D</i>	ENSG00000069493	-0.536	
25	<i>PCDHA7</i>	ENSG00000204963	-0.552	
26	<i>C1QTNF6</i>	ENSG00000133466	-0.407	0.968
27	<i>IFI30</i>	ENSG00000216490	-0.494	0.905
28	<i>CFL1</i>	ENSG00000172757	-0.427	
29	<i>WDR75</i>	ENSG00000115368	-0.504	
30	<i>MEX3B</i>	ENSG00000183496	-0.522	0.853
31	<i>PPIC</i>	ENSG00000168938	-0.42	
32	<i>PCDHA13</i>	ENSG00000239389	-0.552	
33	<i>GTF3C3</i>	ENSG00000119041	-0.474	
34	<i>GSTO2</i>	ENSG00000065621	-0.513	
35	<i>PCDHA1</i>	ENSG00000204970	-0.552	
36	<i>COL4A5</i>	ENSG00000188153	-0.615	
37	<i>ELN</i>	ENSG00000049540	-0.796	
38	<i>BTBD10</i>	ENSG00000148925	-0.459	
39	<i>RAET1L</i>	ENSG00000155918	-0.435	
40	<i>SEC23A</i>	ENSG00000100934	-0.401	
41	<i>ZDHHC5</i>	ENSG00000156599	-0.421	0.681
42	<i>HIF3A</i>	ENSG00000124440	-0.736	0.981
43	<i>PII5</i>	ENSG00000137558	-0.566	

44	<i>TAF11</i>	ENSG00000064995	-0.559	
45	<i>YPEL2</i>	ENSG00000175155	-0.432	0.971
46	<i>COL7A1</i>	ENSG00000114270	-0.563	0.966
47	<i>HRK</i>	ENSG00000135116	-0.545	0.995
48	<i>PAPOLG</i>	ENSG00000115421	-0.48	0.827
49	<i>DNMT3B</i>	ENSG00000088305	-0.426	0.925
50	<i>GPATCH2</i>	ENSG00000092978	-0.487	0.925
51	<i>ARID1B</i>	ENSG00000049618	-0.569	
52	<i>SERPINB9</i>	ENSG00000170542	-0.656	
53	<i>NNMT</i>	ENSG00000166741	-0.582	
54	<i>HBPI</i>	ENSG00000105856	-0.789	
55	<i>COL19A1</i>	ENSG00000082293	-0.502	
56	<i>PXYLP1</i>	ENSG00000155893	-0.453	0.903
57	<i>SETDB2</i>	ENSG00000136169	-0.454	0.986
58	<i>TNFAIP3</i>	ENSG00000118503	-0.403	
59	<i>DNAJB7</i>	ENSG00000172404	-0.418	
60	<i>SMTNL2</i>	ENSG00000188176	-0.418	0.857
61	<i>TMOD3</i>	ENSG00000138594	-0.489	0.920
62	<i>CCDC138</i>	ENSG00000163006	-0.637	
63	<i>TFEC</i>	ENSG00000105967	-0.433	
64	<i>LOX</i>	ENSG00000113083	-0.521	
65	<i>ERCC6</i>	ENSG00000225830	-0.732	0.894
66	<i>ZKSCAN7</i>	ENSG00000196345	-0.416	0.581
67	<i>RTKN2</i>	ENSG00000182010	-0.566	
68	<i>PMP22</i>	ENSG00000109099	-0.41	0.795
69	<i>MUC22</i>	ENSG00000261272	-0.506	
70	<i>CLEC7A</i>	ENSG00000172243	-0.459	
71	<i>PCDHA11</i>	ENSG00000249158	-0.552	
72	<i>COL3A1</i>	ENSG00000168542	-0.918	0.979
73	<i>SNIP1</i>	ENSG00000163877	-0.466	0.833
74	<i>SREBF1</i>	ENSG00000072310	-0.422	
75	<i>HHIPL1</i>	ENSG00000182218	-0.424	
76	<i>LYSMD1</i>	ENSG00000163155	-0.514	0.919
77	<i>TDG</i>	ENSG00000139372	-0.529	0.879
78	<i>SPIN4</i>	ENSG00000186767	-0.422	
79	<i>TBCCD1</i>	ENSG00000113838	-0.44	
80	<i>RHCE</i>	ENSG00000188672	-0.506	0.772
81	<i>NSD1</i>	ENSG00000165671	-0.517	
82	<i>COL9A1</i>	ENSG00000112280	-0.444	
83	<i>ADAMTS12</i>	ENSG00000151388	-0.497	0.999
84	<i>ADAMTS2</i>	ENSG00000087116	-0.71	
85	<i>COL21A1</i>	ENSG00000124749	-0.468	
86	<i>ZNF207</i>	ENSG00000010244	-0.547	
87	<i>TDRD3</i>	ENSG00000083544	-0.621	
88	<i>FRAT2</i>	ENSG00000181274	-0.445	0.916
89	<i>CCSAP</i>	ENSG00000154429	-0.47	0.715
90	<i>PRR14L</i>	ENSG00000183530	-0.549	0.984

91	<i>C7orf73</i>	ENSG00000243317	-0.439	
92	<i>MMP16</i>	ENSG00000156103	-0.7	
93	<i>AKT2</i>	ENSG00000105221	-0.631	
94	<i>TPK1</i>	ENSG00000196511	-0.422	
95	<i>PCDHA2</i>	ENSG00000204969	-0.552	
96	<i>C4orf29</i>	ENSG00000164074	-0.4	0.972
97	<i>IQCJ</i>	ENSG00000214216	-0.426	
98	<i>GPR37</i>	ENSG00000170775	-0.493	
99	<i>COL2A1</i>	ENSG00000139219	-0.434	0.896
100	<i>MBTD1</i>	ENSG00000011258	-0.47	0.842
101	<i>TET3</i>	ENSG00000187605	-0.495	1.000
102	<i>NAV2</i>	ENSG00000166833	-0.464	0.970
103	<i>PAN2</i>	ENSG00000135473	-0.433	0.913
104	<i>ZKSCAN4</i>	ENSG00000187626	-0.496	
105	<i>SLC16A14</i>	ENSG00000163053	-0.467	0.897
106	<i>GPC4</i>	ENSG00000076716	-0.528	
107	<i>HAS3</i>	ENSG00000103044	-0.505	0.987
108	<i>ASTE1</i>	ENSG00000034533	-0.436	
109	<i>COL15A1</i>	ENSG00000204291	-0.442	0.903
110	<i>HAPLN3</i>	ENSG00000140511	-0.464	
111	<i>DPYSL5</i>	ENSG00000157851	-0.407	0.923
112	<i>TESPA1</i>	ENSG00000135426	-0.653	
113	<i>RIT1</i>	ENSG00000143622	-0.543	0.786
114	<i>KIDINS220</i>	ENSG00000134313	-0.663	
115	<i>ASXL3</i>	ENSG00000141431	-0.543	0.969
116	<i>HMCN1</i>	ENSG00000143341	-0.687	0.915
117	<i>SHROOM2</i>	ENSG00000146950	-0.476	
118	<i>LPL</i>	ENSG00000175445	-0.42	
119	<i>TMEM178B</i>	ENSG00000261115	-0.411	
120	<i>PCDHAC2</i>	ENSG00000243232	-0.55	
121	<i>ARL17A</i>	ENSG00000185829	-0.498	
122	<i>COL5A1</i>	ENSG00000130635	-0.525	
123	<i>PCDHA12</i>	ENSG00000251664	-0.552	
124	<i>ATAD2B</i>	ENSG00000119778	-1.298	0.981
125	<i>ZBTB5</i>	ENSG00000168795	-0.556	
126	<i>RNF19A</i>	ENSG00000034677	-0.461	
127	<i>PDPN</i>	ENSG00000162493	-0.444	
128	<i>TRIB2</i>	ENSG00000071575	-0.597	0.988
129	<i>MRPL17</i>	ENSG00000158042	-0.413	
130	<i>TMEM169</i>	ENSG00000163449	-0.657	0.969
131	<i>COL4A4</i>	ENSG00000081052	-0.765	0.966
132	<i>FARP2</i>	ENSG00000006607	-0.539	0.224
133	<i>RGS1</i>	ENSG00000090104	-0.526	
134	<i>SS18L1</i>	ENSG00000184402	-0.457	0.833
135	<i>PTPRJ</i>	ENSG00000149177	-0.425	
136	<i>SLC35B2</i>	ENSG00000157593	-0.553	
137	<i>TTC30B</i>	ENSG00000196659	-0.404	0.445

138	<i>MAPRE1</i>	ENSG00000101367	-0.412	0.723
139	<i>CDC42</i>	ENSG00000070831	-0.4	0.813
140	<i>DCX</i>	ENSG00000077279	-0.431	
141	<i>NARF</i>	ENSG00000141562	-0.427	0.903
142	<i>CDC7</i>	ENSG00000097046	-0.468	0.753
143	<i>AUNIP</i>	ENSG00000127423	-0.418	
144	<i>AICDA</i>	ENSG00000111732	-0.445	
145	<i>MXD1</i>	ENSG00000059728	-0.527	0.965
146	<i>RP11-444E17.6</i>	ENSG00000272442	-0.608	
147	<i>CLDN1</i>	ENSG00000163347	-0.425	0.836
148	<i>COL1A2</i>	ENSG00000164692	-0.606	
149	<i>FAM23B</i>	ENSG00000184040	-0.527	0.836
150	<i>SLC22A7</i>	ENSG00000137204	-0.646	
151	<i>ARRDC3</i>	ENSG00000113369	-0.433	0.805
152	<i>PCDHA5</i>	ENSG00000204965	-0.552	
153	<i>IGF1</i>	ENSG00000017427	-0.402	0.994
154	<i>MAP6</i>	ENSG00000171533	-0.418	0.818
155	<i>GSTA4</i>	ENSG00000170899	-0.438	
156	<i>KIF26A</i>	ENSG00000066735	-0.413	0.925
157	<i>BCCIP</i>	ENSG00000107949	-0.434	
158	<i>ZNF577</i>	ENSG00000161551	-0.615	
159	<i>COL11A1</i>	ENSG00000060718	-0.613	0.933
160	<i>DTWD2</i>	ENSG00000169570	-0.511	
161	<i>IL1RL1</i>	ENSG00000115602	-0.543	
162	<i>CLMN</i>	ENSG00000165959	-0.62	0.921
163	<i>NAPIL3</i>	ENSG00000186310	-0.411	
164	<i>CEACAM6</i>	ENSG00000086548	-0.559	
165	<i>COL6A3</i>	ENSG00000163359	-0.428	0.925
166	<i>TLL1</i>	ENSG00000038295	-0.528	0.899
167	<i>Clorf220</i>	ENSG00000213057	-0.413	
168	<i>KIAA1024</i>	ENSG00000169330	-0.403	0.993
169	<i>ABCB6</i>	ENSG00000115657	-0.404	
170	<i>TMEM236</i>	ENSG00000148483	-0.527	0.890
171	<i>PDIK1L</i>	ENSG00000175087	-0.466	0.840
172	<i>SUV420H2</i>	ENSG00000133247	-0.746	0.972
173	<i>LIN7A</i>	ENSG00000111052	-0.424	0.917
174	<i>PCDHAC1</i>	ENSG00000248383	-0.552	
175	<i>RLF</i>	ENSG00000117000	-0.473	0.905
176	<i>VPS37C</i>	ENSG00000167987	-0.482	0.828
177	<i>FAM136A</i>	ENSG00000035141	-0.41	0.877
178	<i>PXDN</i>	ENSG00000130508	-0.63	0.925
179	<i>GRAP2</i>	ENSG00000100351	-0.437	0.480
180	<i>ROBO1</i>	ENSG00000169855	-0.545	0.822
181	<i>CCNJ</i>	ENSG00000107443	-0.48	0.540
182	<i>COL8A1</i>	ENSG00000144810	-0.402	0.925
183	<i>PCDHA8</i>	ENSG00000204962	-0.552	
184	<i>ULBP2</i>	ENSG00000131015	-0.435	

185	<i>NFIA</i>	ENSG00000162599	-0.644	0.995
186	<i>ATG9A</i>	ENSG00000198925	-0.417	0.877
187	<i>XKR6</i>	ENSG00000171044	-0.457	
188	<i>CALCB</i>	ENSG00000175868	-0.59	
189	<i>LAMA2</i>	ENSG00000196569	-0.515	
190	<i>CREG1</i>	ENSG00000143162	-0.417	
191	<i>NAV3</i>	ENSG00000067798	-0.615	0.975
192	<i>GRIP1</i>	ENSG00000155974	-0.503	0.879
193	<i>MPZL3</i>	ENSG00000160588	-0.403	
194	<i>CYCS</i>	ENSG00000172115	-0.415	
195	<i>VGLL1</i>	ENSG00000102243	-0.519	
196	<i>PCDHA4</i>	ENSG00000204967	-0.552	
197	<i>COL25A1</i>	ENSG00000188517	-0.468	0.885
198	<i>MOB1A</i>	ENSG00000114978	-0.438	0.827
199	<i>C10orf67</i>	ENSG00000179133	-0.42	
200	<i>TNFRSF9</i>	ENSG00000049249	-0.475	
201	<i>COL5A3</i>	ENSG00000080573	-0.731	0.997
202	<i>VEGFA</i>	ENSG00000112715	-0.528	
203	<i>PTEN</i>	ENSG00000171862	-0.423	0.973
204	<i>SLC5A8</i>	ENSG00000256870	-0.557	0.818
205	<i>XDH</i>	ENSG00000158125	-0.427	
206	<i>ADAMTS9</i>	ENSG00000163638	-0.515	0.996
207	<i>SCML2</i>	ENSG00000102098	-0.434	
208	<i>PCDHA3</i>	ENSG00000255408	-0.552	
209	<i>SESTD1</i>	ENSG00000187231	-0.597	0.992
210	<i>GABRP</i>	ENSG00000094755	-0.433	
211	<i>IBA57</i>	ENSG00000181873	-0.48	
212	<i>PCDH15</i>	ENSG00000150275	-0.47	
213	<i>CEP76</i>	ENSG00000101624	-0.5	0.925
214	<i>ATP10D</i>	ENSG00000145246	-0.515	0.439
215	<i>IQUB</i>	ENSG00000164675	-0.495	
216	<i>COL5A2</i>	ENSG00000204262	-0.416	0.995
217	<i>SGCB</i>	ENSG00000163069	-0.429	0.688
218	<i>IREB2</i>	ENSG00000136381	-0.496	0.925
219	<i>SCML1</i>	ENSG00000047634	-0.42	
220	<i>YBX3</i>	ENSG00000060138	-0.418	0.898
221	<i>METAP2</i>	ENSG00000111142	-0.417	0.747
222	<i>COL4A1</i>	ENSG00000187498	-0.578	0.995
223	<i>DGKH</i>	ENSG00000102780	-0.499	0.925
224	<i>DAZL</i>	ENSG00000092345	-0.491	
225	<i>C10orf55</i>	ENSG00000222047	-0.643	
226	<i>PCDHA6</i>	ENSG00000081842	-0.552	
227	<i>PIK3R2</i>	ENSG00000268173	-0.494	0.905
228	<i>SMIM17</i>	ENSG00000268182	-0.467	0.881
229	<i>ZNF28</i>	ENSG00000198538	-0.559	

		<b>hsa-miR-361-5p</b>		
#	Gene Name	Gene Ensembl id	Context Score	Conservation Score
1	<i>RANBP17</i>	ENSG00000204764	-0.501	
2	<i>ST6GALNAC5</i>	ENSG00000117069	-0.405	
3	<i>RDH11</i>	ENSG00000072042	-0.522	
4	<i>BTF3</i>	ENSG00000145741	-0.472	
5	<i>KIAA1024L</i>	ENSG00000186367	-0.461	
6	<i>SLC24A2</i>	ENSG00000155886	-0.429	
7	<i>NR4A2</i>	ENSG00000153234	-0.404	
8	<i>EIF1AX</i>	ENSG00000173674	-0.44	
9	<i>TC2N</i>	ENSG00000165929	-0.419	
10	<i>OSBPL11</i>	ENSG00000144909	-0.406	
11	<i>XRCC4</i>	ENSG00000152422	-0.413	
12	<i>DNAJC16</i>	ENSG00000116138	-0.605	
13	<i>PCDHB4</i>	ENSG00000081818	-0.425	
14	<i>ELOVL7</i>	ENSG00000164181	-0.448	
15	<i>DCTN6</i>	ENSG00000104671	-0.494	
16	<i>SDCBP</i>	ENSG00000137575	-0.455	
17	<i>GNB4</i>	ENSG00000114450	-0.404	
18	<i>KCNJ3</i>	ENSG00000162989	-0.517	
19	<i>MAP10</i>	ENSG00000212916	-0.454	

		<b>hsa-miR-889-5p</b>		
#	Gene Name	Gene Ensembl id	Context Score	Conservation Score
1	<i>TBC1D20</i>	ENSG00000125875	-0.468	
2	<i>AKR1C2</i>	ENSG00000151632	-0.496	
3	<i>CDH26</i>	ENSG00000124215	-0.549	
4	<i>WFDC13</i>	ENSG00000168634	-0.51	
5	<i>SAP18</i>	ENSG00000150459	-0.41	
6	<i>EFCAB14</i>	ENSG00000159658	-0.535	
7	<i>G3BP1</i>	ENSG00000145907	-0.685	
8	<i>ZNF420</i>	ENSG00000197050	-0.549	
9	<i>SNX18</i>	ENSG00000178996	-0.442	
10	<i>TMEM212</i>	ENSG00000186329	-0.53	
11	<i>ZFAND5</i>	ENSG00000107372	-0.465	
12	<i>RB1CC1</i>	ENSG00000023287	-0.485	
13	<i>ZNF879</i>	ENSG00000234284	-0.402	
14	<i>MTL5</i>	ENSG00000132749	-0.401	
15	<i>CRLF3</i>	ENSG00000176390	-0.416	
16	<i>FAM111B</i>	ENSG00000189057	-0.668	
17	<i>BTBD1</i>	ENSG00000064726	-0.549	
18	<i>ESRRG</i>	ENSG00000196482	-0.508	

19	<i>MAP3K3</i>	ENSG00000198909	-0.416	
20	<i>RBM8A</i>	ENSG00000272514	-0.595	
21	<i>MORC4</i>	ENSG00000133131	-1.03	
22	<i>CYTH2</i>	ENSG00000105443	-0.51	
23	<i>MYO19</i>	ENSG00000141140	-0.445	
24	<i>ATAD1</i>	ENSG00000138138	-0.719	
25	<i>MKRN2</i>	ENSG00000075975	-0.441	
26	<i>ATXN7L1</i>	ENSG00000146776	-0.793	
27	<i>TRAPPC3L</i>	ENSG00000173626	-0.451	
28	<i>ARSB</i>	ENSG00000113273	-0.448	
29	<i>MIPOL1</i>	ENSG00000151338	-0.536	
30	<i>TECPR2</i>	ENSG00000196663	-0.425	
31	<i>ZNF480</i>	ENSG00000198464	-0.619	
32	<i>FAM64A</i>	ENSG00000129195	-0.407	
33	<i>RUNX2</i>	ENSG00000124813	-0.523	
34	<i>TSPY2</i>	ENSG00000168757	-0.41	
35	<i>TSPY8</i>	ENSG00000229549	-0.416	
36	<i>PRRC2C</i>	ENSG00000117523	-0.466	
37	<i>RP11-47I22.3</i>	ENSG00000232774	-0.51	
38	<i>MLPH</i>	ENSG00000115648	-0.443	
39	<i>SS18</i>	ENSG00000141380	-0.421	
40	<i>LYPD6</i>	ENSG00000187123	-0.456	
41	<i>KCNS3</i>	ENSG00000170745	-0.429	
42	<i>ZNF250</i>	ENSG00000196150	-0.466	
43	<i>ZNF37A</i>	ENSG00000075407	-0.549	
44	<i>PIK3CD</i>	ENSG00000171608	-0.428	
45	<i>ZNF814</i>	ENSG00000204514	-0.416	
46	<i>FATE1</i>	ENSG00000147378	-0.435	
47	<i>GABRA5</i>	ENSG00000186297	-0.403	
48	<i>CYP4F3</i>	ENSG00000186529	-0.421	
49	<i>PARP16</i>	ENSG00000138617	-0.411	
50	<i>USP46</i>	ENSG00000109189	-0.442	
51	<i>GSG1</i>	ENSG00000111305	-0.507	
52	<i>UNC80</i>	ENSG00000144406	-0.415	
53	<i>OXCT1</i>	ENSG00000083720	-0.431	
54	<i>NSA2</i>	ENSG00000164346	-0.514	
55	<i>FAM118A</i>	ENSG00000100376	-0.441	
56	<i>ZNF280D</i>	ENSG00000137871	-0.476	
57	<i>ATP5H</i>	ENSG00000167863	-0.489	
58	<i>TOMM22</i>	ENSG00000100216	-0.507	
59	<i>OTUD4</i>	ENSG00000164164	-0.412	
60	<i>GPR135</i>	ENSG00000181619	-0.4	
61	<i>TNFRSF10B</i>	ENSG00000120889	-0.463	
62	<i>DYNLL2</i>	ENSG00000264364	-0.542	

63	<i>HTRA4</i>	ENSG00000169495	-0.435	
64	<i>ZNF430</i>	ENSG00000118620	-0.484	
65	<i>RP11-111M22.2</i>	ENSG00000179240	-0.557	
66	<i>ZFP1</i>	ENSG00000184517	-0.73	
67	<i>GRID2</i>	ENSG00000152208	-0.41	
68	<i>BCAS2</i>	ENSG00000116752	-0.426	
69	<i>C21orf90</i>	ENSG00000182912	-0.424	
70	<i>MBNL2</i>	ENSG00000139793	-0.408	
71	<i>AMOTL2</i>	ENSG00000114019	-0.555	
72	<i>C12orf55</i>	ENSG00000188596	-0.606	
73	<i>GOLGA1</i>	ENSG00000136935	-0.454	
74	<i>PCNP</i>	ENSG00000081154	-0.43	
75	<i>DPH5</i>	ENSG00000117543	-0.65	
76	<i>COX15</i>	ENSG00000014919	-0.453	
77	<i>UBE2D1</i>	ENSG00000072401	-0.462	
78	<i>KRT20</i>	ENSG00000171431	-0.435	
79	<i>CPLX1</i>	ENSG00000168993	-0.404	
80	<i>OGFOD1</i>	ENSG00000087263	-0.437	
81	<i>THADA</i>	ENSG00000115970	-0.439	
82	<i>PHF13</i>	ENSG00000116273	-0.441	
83	<i>SLC9A4</i>	ENSG00000180251	-0.501	
84	<i>GFOD2</i>	ENSG00000141098	-0.524	
85	<i>UTRN</i>	ENSG00000152818	-0.789	
86	<i>DIXDC1</i>	ENSG00000150764	-0.473	
87	<i>CYP4F2</i>	ENSG00000186115	-0.408	
88	<i>ZNF385D</i>	ENSG00000151789	-0.889	
89	<i>TSPY1</i>	ENSG00000258992	-0.429	
90	<i>TSPY4</i>	ENSG00000233803	-0.416	
91	<i>DNAJC2</i>	ENSG00000105821	-0.422	
92	<i>PPAPDC2</i>	ENSG00000205808	-0.733	
93	<i>TTC6</i>	ENSG00000139865	-0.445	
94	<i>RIMS2</i>	ENSG00000176406	-0.461	
95	<i>RP11-345J4.5</i>	ENSG00000261740	-0.743	
96	<i>XRCC2</i>	ENSG00000196584	-0.797	
97	<i>NCOA1</i>	ENSG00000084676	-0.45	
98	<i>ERV3-1</i>	ENSG00000213462	-0.528	
99	<i>GPR75-ASB3</i>	ENSG00000115239	-0.418	

		<b>hsa-miR-576-3p</b>		
#	Gene Name	Gene Ensembl id	Context Score	Conservation Score
1	<i>MYOT</i>	ENSG00000120729	-0.433	
2	<i>ZNF616</i>	ENSG00000204611	-0.461	
3	<i>ZNF83</i>	ENSG00000167766	-0.403	

4	<i>ENTPD5</i>	ENSG00000187097	-0.458	
5	<i>HOOK3</i>	ENSG00000168172	-0.43	
6	<i>REG4</i>	ENSG00000134193	-0.434	
7	<i>VSIG10</i>	ENSG00000176834	-0.402	
8	<i>FGL2</i>	ENSG00000127951	-0.871	
9	<i>ZNF566</i>	ENSG00000186017	-0.469	
10	<i>HOXC11</i>	ENSG00000123388	-0.49	
11	<i>ADD3</i>	ENSG00000148700	-0.404	
12	<i>CXCL3</i>	ENSG00000163734	-0.406	
13	<i>11-Mar</i>	ENSG00000183654	-0.416	
14	<i>FAM217A</i>	ENSG00000145975	-0.4	
15	<i>TSHR</i>	ENSG00000165409	-0.438	
16	<i>NPFFR2</i>	ENSG00000056291	-0.501	
17	<i>ZNF737</i>	ENSG00000237440	-0.425	
18	<i>FAM9B</i>	ENSG00000177138	-0.41	
19	<i>PAX4</i>	ENSG00000106331	-0.491	
20	<i>HOOK1</i>	ENSG00000134709	-0.488	
21	<i>GIMAP7</i>	ENSG00000179144	-0.519	
22	<i>SSX2IP</i>	ENSG00000117155	-0.41	
23	<i>PRKARIA</i>	ENSG00000108946	-0.655	
24	<i>ANKRD18B</i>	ENSG00000230453	-0.595	
25	<i>MZT1</i>	ENSG00000204899	-0.405	
26	<i>RACGAP1</i>	ENSG00000161800	-0.448	
27	<i>FANCC</i>	ENSG00000158169	-0.467	
28	<i>NDUFAF5</i>	ENSG00000101247	-0.446	

	<b>hsa-miR-196b-5p</b>			
#	Gene Name	Gene Ensembl id	Context Score	Conservation Score
1	<i>ATF6</i>	ENSG00000118217	-0.43	
2	<i>HOXB7</i>	ENSG00000260027	-0.449	0.652
3	<i>WIPF2</i>	ENSG00000171475	-0.529	
4	<i>HOXA7</i>	ENSG00000122592	-1.231	
5	<i>DAZ3</i>	ENSG00000187191	-0.44	
6	<i>AC120194.1</i>	ENSG00000213002	-0.429	
7	<i>KLHL4</i>	ENSG00000102271	-0.429	
8	<i>UGT2A1</i>	ENSG00000173610	-0.445	
9	<i>PACRGL</i>	ENSG00000163138	-0.501	
10	<i>GDPD4</i>	ENSG00000178795	-0.414	
11	<i>FBXO21</i>	ENSG00000135108	-0.4	
12	<i>PTBP2</i>	ENSG00000117569	-0.82	0.362
13	<i>NRAS</i>	ENSG00000213281	-0.468	0.851
14	<i>TMEM144</i>	ENSG00000164124	-0.441	
15	<i>ZMYND11</i>	ENSG00000015171	-0.497	0.826

16	<i>TKTL2</i>	ENSG00000151005	-0.461	
17	<i>ATP1A2</i>	ENSG00000018625	-0.438	
18	<i>NR6A1</i>	ENSG00000148200	-0.496	
19	<i>SCCPDH</i>	ENSG00000143653	-0.419	
20	<i>ELMOD2</i>	ENSG00000179387	-0.517	
21	<i>HOXA9</i>	ENSG00000078399	-0.634	
22	<i>DNAJC10</i>	ENSG00000077232	-0.416	
23	<i>PAPOLA</i>	ENSG00000090060	-0.471	0.405
24	<i>ZBTB26</i>	ENSG00000171448	-0.413	
25	<i>RGPD1</i>	ENSG00000187627	-0.408	
26	<i>RPS27A</i>	ENSG00000143947	-0.447	
27	<i>MAP3K1</i>	ENSG00000095015	-0.483	0.574
28	<i>CTSO</i>	ENSG00000256043	-0.424	
29	<i>HACL1</i>	ENSG00000131373	-0.406	
30	<i>SLC9A6</i>	ENSG00000198689	-0.876	
31	<i>MTRNR2L4</i>	ENSG00000232196	-0.409	
32	<i>DCDC2</i>	ENSG00000146038	-0.409	
33	<i>NDUFAF4</i>	ENSG00000123545	-0.46	
34	<i>ANAPC4</i>	ENSG00000053900	-0.407	
35	<i>AQP4</i>	ENSG00000171885	-0.431	0.566
36	<i>PPP1R15B</i>	ENSG00000158615	-0.421	0.857
37	<i>TESPA1</i>	ENSG00000135426	-0.531	
38	<i>PRELID2</i>	ENSG00000186314	-0.44	
39	<i>HOXA5</i>	ENSG00000106004	-0.411	
40	<i>CCDC47</i>	ENSG00000108588	-0.454	0.647
41	<i>DAZ2</i>	ENSG00000205944	-0.44	
42	<i>PSMB2</i>	ENSG00000126067	-0.445	
43	<i>KLHL23</i>	ENSG00000213160	-0.546	
44	<i>GDF3</i>	ENSG00000184344	-0.484	
45	<i>CDC7</i>	ENSG00000097046	-0.445	
46	<i>DAZ4</i>	ENSG00000205916	-0.441	
47	<i>NLGN1</i>	ENSG00000169760	-0.412	
48	<i>P2RY1</i>	ENSG00000169860	-0.483	
49	<i>SULT2A1</i>	ENSG00000105398	-0.406	
50	<i>CCL15</i>	ENSG00000267596	-0.552	
51	<i>SNX13</i>	ENSG00000071189	-0.431	
52	<i>LGALS8</i>	ENSG00000116977	-0.443	
53	<i>SORCS1</i>	ENSG00000108018	-0.48	0.428
54	<i>AUH</i>	ENSG00000148090	-0.506	
55	<i>TRHDE</i>	ENSG00000072657	-0.421	
56	<i>EXOC8</i>	ENSG00000116903	-0.469	
57	<i>LRP1B</i>	ENSG00000168702	-0.409	0.649
58	<i>FCRL4</i>	ENSG00000163518	-0.458	
59	<i>TRMT10A</i>	ENSG00000145331	-0.79	

60	<i>KLRB1</i>	ENSG00000111796	-0.422	
61	<i>DAZI</i>	ENSG00000188120	-0.44	
62	<i>SNX24</i>	ENSG00000064652	-0.416	
63	<i>LIX1L</i>	ENSG00000152022	-0.512	
64	<i>HOXC8</i>	ENSG00000037965	-0.83	0.986

<b>hsa-miR-376c-3p</b>				
#	Gene Name	Gene Ensembl id	Context Score	Conservation Score
1	<i>SCAMP2</i>	ENSG00000140497	-0.448	
2	<i>ZSCAN31</i>	ENSG00000235109	-0.426	
3	<i>GPR1</i>	ENSG00000183671	-0.41	
4	<i>LPAR3</i>	ENSG00000171517	-0.488	
5	<i>KIAA2022</i>	ENSG00000050030	-0.49	
6	<i>RP11-322L20.1</i>	ENSG00000258804	-0.504	
7	<i>ZNF681</i>	ENSG00000196172	-0.677	
8	<i>SLC25A37</i>	ENSG00000147454	-0.453	
9	<i>GABRG2</i>	ENSG00000113327	-0.601	
10	<i>PAFAH1B1</i>	ENSG00000007168	-0.506	
11	<i>LANCL1</i>	ENSG00000115365	-0.424	
12	<i>KCNJ16</i>	ENSG00000153822	-0.408	
13	<i>TMEM252</i>	ENSG00000181778	-0.423	
14	<i>OPA3</i>	ENSG00000125741	-0.485	
15	<i>SLC17A5</i>	ENSG00000119899	-0.479	
16	<i>NEUROD6</i>	ENSG00000164600	-0.44	
17	<i>SH2D1B</i>	ENSG00000198574	-0.438	
18	<i>SLC7A11</i>	ENSG00000151012	-0.422	
19	<i>ARFGEF2</i>	ENSG00000124198	-0.568	
20	<i>VLDLR</i>	ENSG00000147852	-0.46	
21	<i>PREP</i>	ENSG00000085377	-0.416	
22	<i>GCSAML</i>	ENSG00000169224	-0.564	
23	<i>SYNM</i>	ENSG00000182253	-0.46	
24	<i>TMEM38B</i>	ENSG00000095209	-0.412	
25	<i>CLDN22</i>	ENSG00000177300	-0.44	
26	<i>PIRT</i>	ENSG00000233670	-0.474	
27	<i>IL2</i>	ENSG00000109471	-0.401	
28	<i>TLR5</i>	ENSG00000187554	-0.428	
29	<i>METTL25</i>	ENSG00000127720	-0.434	
30	<i>HIF1A</i>	ENSG00000100644	-0.429	
31	<i>SLC35D2</i>	ENSG00000130958	-0.451	
32	<i>BAZ1A</i>	ENSG00000198604	-0.4	
33	<i>PAX4</i>	ENSG00000106331	-0.53	
34	<i>PSG5</i>	ENSG00000204941	-0.478	
35	<i>FHDC1</i>	ENSG00000137460	-0.414	

36	<i>KIAA0247</i>	ENSG00000100647	-0.438	
37	<i>TAF5L</i>	ENSG00000135801	-0.41	
38	<i>SLC7A2</i>	ENSG00000003989	-0.506	
39	<i>KANSL1L</i>	ENSG00000144445	-0.641	
40	<i>SASH1</i>	ENSG00000111961	-0.483	
41	<i>PAPSS2</i>	ENSG00000198682	-0.661	
42	<i>BAHCC1</i>	ENSG00000171282	-0.592	
43	<i>ZNF146</i>	ENSG00000167635	-0.404	
44	<i>DNMBP</i>	ENSG00000107554	-0.403	
45	<i>SPATA17</i>	ENSG00000162814	-0.469	
46	<i>CCDC144NL</i>	ENSG00000205212	-0.554	
47	<i>OPCML</i>	ENSG00000183715	-0.412	
48	<i>ANKRD66</i>	ENSG00000230062	-0.42	